

POSIZIONE ATTUALE

[30/11/2022 – ad oggi]

Ricercatrice a tempo indeterminato in Oceanografia Biologica
Istituto Nazionale di Oceanografia e di Geofisica Sperimentale - OGS, Trieste

STUDI E TITOLI CONSEGUITI

[01/11/2014 – 27/03/2018]

Dottorato di Ricerca in Ambiente e Vita (Genetica – BIO/18)
Università degli Studi di Trieste

[24/08/2007 – 21/04/2010]

Laurea specialistica in Scienze Biologiche - voto 110/110 cum laude
Università degli Studi di Firenze

[23/09/2002 – 26/06/2007]

Laurea triennale in Scienze Biologiche - voto 110/110
Università degli Studi di Firenze

ESPERIENZE PROFESSIONALI (selezione)

[01/05/2019 – 29/11/2022]

Assegnista di Ricerca
Istituto Nazionale di Oceanografia e di Geofisica Sperimentale - OGS, Trieste

[15/04/2018 – 14/04/2019]

Assegnista di Ricerca
Dipartimento di Scienze della Vita, Università degli Studi di Trieste

[21/07/2014 – 31/10/2014]

Tecnico di ricerca e sviluppo sperimentale nel campo delle biotecnologie
Consorzio Innovazione Frutta, Trento

[15/07/2011 – 14/07/2014]

Tecnico di laboratorio - Contratto a Progetto
Centro Ricerca e Innovazione, Fondazione Edmund Mach, S. Michele all'Adige (TN)

[01/05/2011 – 31/06/2011]

Biologa - Contratto di collaborazione coordinata e continuativa
Laboratorio di Genetica Forestale, Centro di Ricerca per l'Agricoltura (CRA) di Arezzo

[01/07/2010 – 31/12/2010]

Biologa - Borsa di studio
Dipartimento di Biologia, Università degli Studi di Firenze

COMPETENZE LINGUISTICHE

Lingua madre: **Italiano**

Altra lingua: **Inglese: ASCOLTO B2 LETTURA B2 SCRITTURA B2 PRODUZIONE ORALE B2 INTERAZIONE ORALE B2**

Fonte: Scopus al 05/09/2023

- Numero pubblicazioni ISI con Impact Factor: **29**, di cui **10** come primo autore e **3** come corresponding

- H index: **16** - Numero totale di citazioni: **972**

Scopus: <https://www.scopus.com/authid/detail.uri?authorId=36173654200>

Scholar: <https://scholar.google.com/citations?user=aTb90ZwAAAAJ&hl=it>

ResearchGate: <https://www.researchgate.net/profile/Elisa-Banchi>

ORCID: <https://orcid.org/0000-0002-6598-0447>

PUBBLICAZIONI PEER-REVIEWED CON IF (*equal contribution, ^come corresponding author)

1. [Banchi, E.[^], Corre, E., Del Negro, P., Celussi, M., & Malfatti, F. \(2023\). **Genome-resolved metagenomics of Venice Lagoon surface sediment bacteria reveals high biosynthetic potential and metabolic plasticity as successful strategies in an impacted environment.** Accepted in: *Marine Life Science & Technology on 5/9/23*](#)
2. [Saidi, A., Banchi, E., Fonti, V., Manna, V., De Vittor, C., Giani, M., Malfatti, F., & Celussi, M. \(2023\). **Microbial dynamics in shallow CO₂ seeps system off Panarea Island \(Italy\).** *Marine Biology* 8, 1-14. doi: \[10.1007/s00227-023-04247-8\]\(https://doi.org/10.1007/s00227-023-04247-8\)](#)
3. [Uttieri, M., Anadoli, O., Banchi, E., Battuello, M., Beşiktepe, Ş., Carotenuto, Y., ... & Wootton, M. \(2023\). **The Distribution of *Pseudodiaptomus marinus* in European and Neighbouring Waters—A Rolling Review.** *Journal of Marine Science and Engineering* 11, 1238. doi: \[10.3390/jmse11061238\]\(https://doi.org/10.3390/jmse11061238\)](#)
4. [Baldassarre, L., Natali, V., De Pascale, F., Vezzi, A., Banchi, E., Bazzaro, M., Relitti, F., Tagliapietra, D., & Cibic, T. \(2023\). **The impact of MOSE flood barriers on microphytobenthic community of the Venice lagoon.** *Microorganisms* 11, 936. doi: \[10.3390/microorganisms11040936\]\(https://doi.org/10.3390/microorganisms11040936\)](#)
5. [Banchi, E.[^], Manna, V., Fonti, V., Fabbro, C., & Celussi, M. \(2022\). **Improving environmental monitoring of Vibrionaceae in coastal ecosystems through 16S rRNA gene amplicon sequencing.** *Environmental Science and Pollution Research* 29, 67466–82. doi: \[10.1007/s11356-022-22752-z\]\(https://doi.org/10.1007/s11356-022-22752-z\)](#)
6. [Manna, V., Zoccarato, L., Banchi, E., Arnosti, C., Grossart, H.P., & Celussi, M. \(2022\). **Linking lifestyle and foraging strategies of marine bacteria: selfish behaviour of particle-attached bacteria in the Northern Adriatic Sea.** *Environmental Microbiology Reports*. doi: \[10.1111/1758-2229.13059\]\(https://doi.org/10.1111/1758-2229.13059\)](#)
7. [Ríos-Castro, R., Aranguren, R., Romero, A., Pallavicini, A., Banchi, E., Novoa, B., & Figueras, A. \(2022\). **Assessment of the environmental distribution of the protozoan parasite *Perkinsus olseni* by next-generation sequencing, qPCR and histopathology allows the identification of alternative bivalve hosts.** *Aquaculture*, 552, 7379848. doi: \[10.1016/j.aquaculture.2022.737984\]\(https://doi.org/10.1016/j.aquaculture.2022.737984\)](#)
8. [Banchi, E., Del Negro, P., Celussi, M., & Malfatti, F. \(2021\). **Sediment features and human activities structure the surface microbial communities of the Venice Lagoon.** *Frontiers in Marine Science*, 8, 1900. doi: \[10.3389/fmars.2021.762292\]\(https://doi.org/10.3389/fmars.2021.762292\)](#)
9. [Ríos-Castro, R., Romero, A., Aranguren, R., Pallavicini, A., Banchi, E., Novoa, B., & Figueras, A. \(2021\). **High-throughput sequencing of environmental DNA as a tool for monitoring eukaryotic communities and potential pathogens in a coastal upwelling ecosystem.** *Frontiers in Veterinary Science*, 8, 1300. doi: \[10.3389/fvets.2021.765606\]\(https://doi.org/10.3389/fvets.2021.765606\)](#)
10. [Tordoni, E., Ametrano, C.G., Banchi, E., Ongaro, S., Pallavicini, A., Bacaro, G., & Muggia, L. \(2021\). **Integrated eDNA metabarcoding and morphological analyses assess spatio-temporal patterns of airborne fungal spores.** *Ecological Indicators*, 121, 107032. doi: \[10.1016/j.ecolind.2020.107032\]\(https://doi.org/10.1016/j.ecolind.2020.107032\)](#)
11. [Banchi, E., Ametrano, C.G., Tordoni, E., Stanković, D., Ongaro, S., ARPA working group, Tretiach, M., & Muggia, L. \(2020\). **Environmental DNA assessment of airborne plant and fungal seasonal diversity.** *Science of the Total Environment*, 738, 140249. doi: \[10.1016/j.scitotenv.2020.140249\]\(https://doi.org/10.1016/j.scitotenv.2020.140249\)](#)
12. [Manna, V., Malfatti, F., Banchi, E., Cerino, F., De Pascale, F., Franzo, A., Del Negro, P., & Celussi, M. \(2020\). **Prokaryotic response to phytodetritus-derived organic material in epi- and mesopelagic Antarctic waters.** *Frontiers in Microbiology*, 11, 1242. doi: \[10.3389/fmicb.2020.01242\]\(https://doi.org/10.3389/fmicb.2020.01242\)](#)
13. [Banchi, E., Ametrano, C.G., Greco, S., Stanković, D., Muggia, L., & Pallavicini, A. \(2020\). **PLANiTS: a curated sequence reference dataset for plant ITS DNA metabarcoding.** *Database*, 2020. doi: \[10.1093/database/baz155\]\(https://doi.org/10.1093/database/baz155\)](#)
14. [Banchi, E., Pallavicini, A., & Muggia, L. \(2019\). **Relevance of plant and fungal DNA metabarcoding in aerobiology.** *Aerobiologia*, 36\(1\), 9-23. doi: \[10.1007/s10453-019-09574-2\]\(https://doi.org/10.1007/s10453-019-09574-2\)](#)
15. [Banchi, E.^{*}, Candotto Carniel, F.^{*}, Montagner, A., Bosi, S., Bramini, M., Crosera, M., Leòn, V., Martin, C., Pallavicini, A., Prato, M., & Tretiach, M. \(2019\). **Graphene-based materials do not impair physiology, gene expression and growth dynamics of the aeroterrestrial microalga *Trebouxia gelatinosa*.** *Nanotoxicology*, 13\(4\), 492-509. doi: \[10.1080/17435390.2019.1570371\]\(https://doi.org/10.1080/17435390.2019.1570371\)](#)

16. Vezzulli, S.*, Malacarne, G.*, Masuero, D., Vecchione, A., Dolzani, C., Goremykin, V., Mehari, Z.H., Banchi, E., Velasco, R., Stefanini, M., Vrhovsek, U., Zulini, L., Franceschi, P., & Moser, C. (2019). **The Rpv3-3 haplotype and stilbenoid induction mediate downy mildew resistance in a grapevine interspecific population.** *Frontiers in plant science*, 10, 234. doi: [10.3389/fpls.2019.00234](https://doi.org/10.3389/fpls.2019.00234).
17. Banchi, E., Ametrano, C. G., Stanković, D., Verardo, P., Moretti, O., Gabrielli, F., Lazzarin, S., Borney, M.F., Tretiach, M., Pallavicini, A., & Muggia, L. (2018). **DNA metabarcoding uncovers fungal diversity of mixed airborne samples in Italy.** *PLoS One*, 13(3), e0194489. doi: [10.1371/journal.pone.0194489](https://doi.org/10.1371/journal.pone.0194489).
18. Banchi, E., Stankovic, D., Fernández-Mendoza, F., Gionechetti, F., Pallavicini, A., & Muggia, L. (2018). **ITS2 metabarcoding analysis complements lichen mycobiome diversity data.** *Mycological progress*, 17(9), 1049-1066. doi: [10.1007/s11557-018-1415-4](https://doi.org/10.1007/s11557-018-1415-4).
19. Banchi, E., Carniel, F. C., Montagner, A., Petruzzellis, F., Pichler, G., Giarola, V., Bartels, D., Pallavicini, A., & Tretiach, M. (2018). **Relation between water status and desiccation-affected genes in the lichen photobiont *Trebouxia gelatinosa*.** *Plant Physiology and Biochemistry*, 129, 189-197. doi: [10.1016/j.plaphy.2018.06.004](https://doi.org/10.1016/j.plaphy.2018.06.004).
20. Hernández Mora, J.R., Micheletti, D., Bink, M., Van de Weg, E., Nazzicari, N., Caprera, A., Dettori, M. T., Micali, S., Banchi, E., ... & Verde, I. (2017). **Integrated QTL detection for key breeding traits in multiple peach progenies.** *BMC Genomics*, 18. doi: [10.1186/s12864-017-3783-6](https://doi.org/10.1186/s12864-017-3783-6).
21. Candotto Carniel, F.*, Gerdol, M.*, Montagner, A., Banchi, E., De Moro, G., Manfrin, C., Muggia, L., Pallavicini, A., & Tretiach, M. (2016). **New features of desiccation tolerance in the lichen photobiont *Trebouxia gelatinosa* are revealed by a transcriptomic approach.** *Plant Molecular Biology*, 91, 319-339. doi: [10.1007/s11103-016-0468-5](https://doi.org/10.1007/s11103-016-0468-5).
22. Muranty, H., Troggio, M., Sadok, I. B., Al Rifai, M., Auwerkerken, A., Banchi, E., ... & Bink, M. C. (2015). **Accuracy and responses of genomic selection on key traits in apple breeding.** *Horticulture research*, 2, 1-12. doi: [10.1038/hortres.2015.60](https://doi.org/10.1038/hortres.2015.60).
23. Micheletti, D., Dettori, M. T., Micali, S., Aramini, V., Pacheco, I., Da Silva Linge, C., Foschi, S., Banchi, E., ... & Aranzana, M.J. (2015). **Whole-genome analysis of diversity and SNP-major gene association in peach germplasm.** *PLoS one*, 10, e0136803. doi: [10.1371/journal.pone.0136803](https://doi.org/10.1371/journal.pone.0136803).
24. Bianco, L., Cestaro, A., Sargent, D. J., Banchi, E., Derdak, S., Di Guardo, M., ... & Troggio, M. (2014). **Development and validation of a 20K single nucleotide polymorphism (SNP) whole genome genotyping array for apple (*Malus domestica* Borkh).** *PLoS One*, 9, e110377. doi: [10.1371/journal.pone.0110377](https://doi.org/10.1371/journal.pone.0110377).
25. Troggio, M., Šurbanovski, N., Bianco, L., Moretto, M., Giongo, L., Banchi, E., ... & Sargent, D.J. (2013). **Evaluation of SNP data from the Malus Infinium array identifies challenges for genetic analysis of complex genomes of polyploid origin.** *PLoS One*, 8, e67407. doi: [10.1371/journal.pone.0067407](https://doi.org/10.1371/journal.pone.0067407).
26. Gaspari, S., Holcer, D., Mackelworth, P., Fortuna, C., Frantzis, A., Genov, T., Vighi, M., Natali, C., Rako, N., Banchi, E., Chelazzi, G., & Ciofi, C. (2015). **Population genetic structure of common bottlenose dolphins (*Tursiops truncatus*) in the Adriatic Sea and contiguous regions: implications for international conservation.** *Aquatic Conservation: Marine and Freshwater Ecosystems*, 25, 212-222. doi: [10.1002/aqc.2415](https://doi.org/10.1002/aqc.2415).
27. Eduardo, I., Chietera, G., Pirona, R., Pacheco, I., Troggio, M., Banchi, E., ... & Pozzi, C. (2013). **Genetic dissection of aroma volatile compounds from the essential oil of peach fruit: QTL analysis and identification of candidate genes using dense SNP maps.** *Tree Genetics & Genomes*, 9, 189-204. doi: [10.1007/s11295-012-0546-z](https://doi.org/10.1007/s11295-012-0546-z).
28. Antanaviciute, L., Fernández-Fernández, F., Jansen, J., Banchi, E., Evans, K. M., Viola, R., ... & Sargent, D.J. (2012). **Development of a dense SNP-based linkage map of an apple rootstock progeny using the Malus Infinium whole genome genotyping array.** *BMC genomics*, 13, 1-10. doi: [10.1186/1471-2164-13-203](https://doi.org/10.1186/1471-2164-13-203).
29. Natali, C., Banchi, E., Ciofi, C., Manzo, E., Bartolommei, P., & Cozzolino, R. (2010). **Characterization of 13 polymorphic microsatellite loci in the European pine marten *Martes martes*.** *Conservation Genetics Resources*, 2, 397-399. doi: [10.1007/s12686-010-9282-6](https://doi.org/10.1007/s12686-010-9282-6).

Autorizzo il trattamento dei miei dati personali presenti nel CV ai sensi dell'art. 13 d. lgs. 30 giugno 2003 n. 196 - "Codice in materia di protezione dei dati personali" e dell'art. 13 GDPR 679/16 - "Regolamento europeo sulla protezione dei dati personali".

"Le informazioni contenute nel presente curriculum vitae sono rese sotto la personale responsabilità del sottoscritto ai sensi degli artt. 46 e 47 del DPR 28.12.2000, n. 445, consapevole della responsabilità penale prevista all'art. 76 del medesimo DPR 28.12.2000, n. 445, per le ipotesi di falsità in atti e dichiarazioni mendaci"

Trieste, 05/08/2023

